

В Диссертационный совет 24.1.172.01 (Д 001.010.01)
при Федеральном государственном бюджетном научном
учреждении «Научно-исследовательский институт
биомедицинской химии имени В.Н. Ореховича»

Сведения

О ведущей организации по диссертации **Пятницкого Михаила Алексеевича** на тему:
«Высокопроизводительное секвенирование в молекулярной онкологии: поиск мишеней
и стратификация пациентов для персонализации противоопухолевой терапии»,
представленной на соискание ученой степени доктора биологических наук по
специальности 1.5.8. – «математическая биология, биоинформатика»

Полное наименование организации	Федеральное государственное бюджетное учреждение науки Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова Российской академии наук
Сокращенное наименование организации	ИОГен РАН
Организационно-правовая форма	Федеральные государственные бюджетные учреждения
Ведомственная принадлежность	Министерство науки и высшего образования РФ
Почтовый индекс и адрес организации	119991, ГСП-1 Москва, ул.Губкина, д.3
Электронная почта организации	iogen@vigg.ru
Официальный сайт организации	http://www.vigg.ru
Телефон организации	+7 (499) 135-62-13

Список

основных публикаций сотрудников

1. Kolmykov S., Yevshin I., Kulyashov M., Sharipov R., Kondrakhin Y., Kel A., Kolpakov F., Makeev V.J., Kulakovskiy I.V. GTRD: an integrated view of transcription regulation // Nucleic Acids Research. 2021. T. 49. № D1. C. D104-D111.
2. Afsari B, Kuo A, Zhang Y, Li L, Lahouel K, Danilova L, Favorov A, Rosenquist TA, Grollman AP, Kinzler KW, Cope L, Vogelstein B, Tomasetti C. Supervised mutational signatures for obesity and other tissue-specific etiological factors in cancer. // Elife. 2021 Jan 25;10:e61082. doi: 10.7554/eLife.61082.
3. Filippova E.A., Burdenny A.M., Loginov V.I., Pronina I.V., Lukina S.S., Braga E.A., Fridman M.V., Dmitriev A.A. Long noncoding RNA GAS5 in breast cancer: epigenetic

mechanisms and biological functions. // International Journal of Molecular Sciences. 2021. T. 22. № 13.

4. Makashov A.A., Kozlov A.P., Malov S.V. Oncogenes, tumor suppressor and differentiation genes represent the oldest human gene classes and evolve concurrently. // Scientific Reports. 2019. T. 9. № 1. C. 16410.

5. Pudova E.A., Lukyanova E.N., Zaretsky A.R., Snezhkina A.V., Savvateeva M.V., Kobelyatskaya A.A., Melnikova N.V., Belova A.A., Krasnov G.S., Kudryavtseva A.V., Nyushko K.M., Mikhaylenko D.S., Volchenko N.N., Efremov G.D., Kiseleva M.V., Kaprin A.D., Alekseev B.Y., Klimina K.M. Differentially expressed genes associated with prognosis in locally advanced lymph node-negative prostate cancer. // Frontiers in Genetics. 2019. T. 10. № JUL. C. 730.

6. Walter V., Hayward M.C., Hayes D.N., Du Y., Danilova L. MVisAGe identifies concordant and discordant genomic alterations of driver genes in squamous tumors. // Cancer Research. 2018. T. 78. № 12. C. 3375-3385.

7. Vorontsov I.E., Khimulya G., Lukianova E.N., Kulakovskiy I.V., Makeev V.J., Nikolaeva D.D., Eliseeva I.A. Negative selection maintains transcription factor binding motifs in human cancer // BMC Genomics. 2016. T. 17. C. 395.

Учёный секретарь

М.П.



д.б.н. Ирина Игоревна Горячева