

Сведения

об официальном оппоненте по диссертации Карасева Дмитрия Алексеевича на тему: «Разработка метода протеохеометрики для предсказания взаимодействий белков и лигандов на основе их локального сходства», представленной на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 1.5.8. - «Математическая биология, биоинформатика»

Фамилия, имя, отчество официального оппонента	Полное наименование организации, являющейся основным местом работы официального оппонента и занимаемая им должность	Ученая степень, шифр специальности, по которой защищена диссертация, ученое звание	Список основных публикаций официального оппонента по теме диссертации в рецензируемых научных изданиях за последние 5 лет
Орлов Юрий Львович	Федеральное государственное автономное образовательное учреждение высшего образования Первый Московский государственный медицинский университет имени И. М. Сеченова Министерства здравоохранения Российской Федерации (Сеченовский Университет) Должность: Профессор Кафедры информационных и интернет-технологий Института цифровой медицины Сеченовского Университета	Доктор биологических наук («Математическая биология, биоинформатика» - 03.01.09)	1. Veljkovic A.N., Orlov Y.L. , Mitic N.S. BioGraph: Data Model for Linking and Querying Diverse Biological Metadata. <i>International Journal of Molecular Sciences</i> . 2023; 24(8):6954. 2. Voropaeva E.N., Pospelova T.I., Orlov Y.L. , Churkina M.I., Berezina O.V., Gurazheva A.A., Ageeva T.A., Seregina O.B., Maksimov V.N. The Methylation of the p53 Targets the Genes MIR-203, MIR-129-2, MIR-34A and MIR-34B/C in the Tumor Tissue of Diffuse Large B-Cell Lymphoma. <i>Genes</i> . 2022; 13(8):1401. 3. Dergilev A.I., Orlova N.G., Dobrovolskaya O.B., Orlov Y.L. Statistical estimates of multiple transcription factors binding in the model plant genomes based on ChIP-seq data. <i>J Integr Bioinform</i> . 2021;19(1):20200036. 4. Anashkina A.A., Petrushanko I.Y., Ziganshin R.H., Orlov Y.L. , Nekrasov A.N. Entropy Analysis of Protein Sequences Reveals a Hierarchical Organization. <i>Entropy</i> 2021; 23, 1647. 5. Subkhankulova T., Naumenko F., Tolmachov O.E., Orlov Y.L. Novel ChIP-seq simulating program with superior versatility: isChIP. <i>Briefings in Bioinformatics</i> . 2021; 22(4): bbaa352. 6. Voropaeva E.N., Orlov Y.L. , Pospelova T.I., Gurageva A.A., Voevoda M.I., Maksimov V.N., Seregina O.B., Churkina M.I. The

