

## Сведения

об официальном оппоненте по диссертации Арзуманян Виктории Арменовны «Молекулярный профиль опухолевой клеточной линии HepG2», представленной на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 1.5.8. - «Математическая биология, биоинформатика».

Фамилия, имя, отчество официального оппонента	Полное наименование организации, являющейся основным местом работы официального оппонента и занимаемая им должность	Ученая степень, шифр специальности, по которой защищена диссертация, ученое звание	Список основных публикаций официального оппонента по теме диссертации в рецензируемых научных изданиях за последние 5 лет
Колпаков Федор Анатольевич	<p>Автономная некоммерческая образовательная организация высшего образования «Научно-технологический университет «Сириус»</p> <p>Научный руководитель на правления «Вычислительная биология», Научный центр генетики и наук о жизни.</p>	<p>Доктор биологических наук, 1.5.8 – Математическая биология, биоинформатика</p>	<p>1. Yevshin I, Sharipov R, Kolmykov S, Kondrakhin Y, <b>Kolpakov F</b>. GTRD: a database on gene transcription regulation-2019 update. Nucleic Acids Res. 2019 Jan 8;47(D1):D100-D105.</p> <p>2. <b>Kolpakov F</b>, Akberdin I, Kashapov T, Kiselev L, Kolmykov S, Kondrakhin Y, Kutumova E, Mandrik N, Pintus S, Ryabova A, Sharipov R, Yevshin I, Kel A. BioUML: an integrated environment for systems biology and collaborative analysis of biomedical data. Nucleic Acids Res. 2019 Jul 2;47(W1):W225-W233.</p> <p>3. Kolmykov S, Yevshin I, Kulyashov M, Sharipov R, Kondrakhin Y, Makeev VJ, Kulakovskiy IV, Kel A, <b>Kolpakov F</b>. GTRD: an integrated view of transcription regulation. Nucleic Acids Res. 2021 Jan 8;49(D1):D104-D111.</p> <p>4. <b>Kolpakov F</b>, Akberdin I, Kiselev I, Kolmykov S, Kondrakhin Y, Kulyashov M, Kutumova E, Pintus S, Ryabova A, Sharipov R, Yevshin I, Zhatchenko S, Kel A. BioUML-towards a universal research</p>

platform. Nucleic Acids Res. 2022 Jul 5;50(W1):W124-W131.

5. Boytsov A, Abramov S, Aiusheeva AZ, Kasianova AM, Baulin E, Kuznetsov IA, Aulchenko YS, Kolmykov S, Yevshin I, **Kolpakov F**, Vorontsov IE, Makeev VJ, Kulakovskiy IV. ANANASTRA: annotation and enrichment analysis of allele-specific transcription factor binding at SNPs. Nucleic Acids Res. 2022 Jul 5;50(W1):W51-W56.

6. Vorontsov IE, Eliseeva IA, Zinkevich A, Nikonov M, Abramov S, Boytsov A, Kamenets V, Kasianova A, Kolmykov S, Yevshin IS, Favorov A, Medvedeva YA, Jolma A, **Kolpakov F**, Makeev VJ, Kulakovskiy IV. HOCOMOCO in 2024: a rebuild of the curated collection of binding models for human and mouse transcription factors. Nucleic Acids Res. 2024 Jan 5;52(D1):D154-D163.

Оппонент

Председатель Учёного совета,  
директор Научного центра  
трансляционной медицины

27.01.2025-2.

М.П.

Колпаков Ф.А.

