

Сведения

об официальном оппоненте по диссертации Арзуманян Виктории Арменовны «Молекулярный профиль опухолевой клеточной линии HepG2», представленной на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 1.5.8. -«Математическая биология, биоинформатика».

Фамилия, имя, отчество официального оппонента	Полное наименование организации, являющейся основным местом работы официального оппонента и занимаемая им должность	Ученая степень, шифр специальности, по которой защищена диссертация, ученое звание	Список основных публикаций официального оппонента по теме диссертации в рецензируемых научных изданиях за последние 5 лет
Храмеева Екатерина Евгеньевна	доцент Центра молекулярной и клеточной биологии Сколковского института науки и технологий	Доктор биологических наук, 1.5.8. - Математическая биология, биоинформатика	1. Khrameeva E, Kurochkin I, Han D, Guijarro P, Kanton S, Santel M, Qian Z, Rong S, Mazin P, Sabirov M, Bulat M, Efimova O, Tkachev A, Guo S, Sherwood CC, Camp JG, Pääbo S, Treutlein B, Khaitovich P. Single-cell-resolution transcriptome map of human, chimpanzee, bonobo, and macaque brains. <i>Genome Res.</i> 2020 May;30(5):776-789. 2. Rozenwald MB, Galitsyna AA, Sapunov GV, Khrameeva EE, Gelfand MS. A machine learning framework for the prediction of chromatin folding in <i>Drosophila</i> using epigenetic features. <i>PeerJ Comput Sci.</i> 2020 Nov 30;6:e307. 3. Smirnov DN, Shekhovtsov SV, Shipova AA, Gazizova GR, Shagimardanova EI, Bulakhova NA, Meshcheryakova EN, Poluboyarova TV, Khrameeva EE, Peltek SE, Berman DI. De novo assembly and analysis of the transcriptome of the Siberian wood frog <i>Rana amurensis</i>. <i>Vavilovskii Zhurnal Genet Selektii.</i> 2022 Feb;26(1):109-116. 4. Ilyin AA, Kononkova AD, Golova AV, Shloma VV, Olenkina OM, Nenasheva VV, Abramov YA, Kotov AA, Maksimov DA, Laktionov PP, Pindyurin AV, Galitsyna AA, Ulianov SV, Khrameeva EE,

		Gelfand MS, Belyakin SN, Razin SV, Shevelyov YY. Comparison of genome architecture at two stages of male germline cell differentiation in <i>Drosophila</i>. <i>Nucleic Acids Res.</i> 2022 Apr 8;50(6):3203-3225. 5. Ulianov SV, Zakharova VV, Galitsyna AA, Kos PI, Polovnikov KE, Flyamer IM, Mikhaleva EA, Khrameeva EE, Germini D, Logacheva MD, Gavrilov AA, Gorsky AS, Nechaev SK, Gelfand MS, Vassetzky YS, Chertovich AV, Shevelyov YY, Razin SV. Order and stochasticity in the folding of individual <i>Drosophila</i> genomes. <i>Nat Commun.</i> 2021 Jan 4;12(1):41. 6. Pletenev IA, Bazarevich M, Zagirova DR, Kononkova AD, Cherkasov AV, Efimova OI, Tiukacheva EA, Morozov KV, Ulianov KA, Komkov D, Tvorogova AV, Golimbet VE, Kondratyev NV, Razin SV, Khaitovich P, Ulianov SV, Khrameeva EE. Extensive long-range polycomb interactions and weak compartmentalization are hallmarks of human neuronal 3D genome. <i>Nucleic Acids Res.</i> 2024 Jun 24;52(11):6234-6252.
--	--	---

Оппонент

Храмсева

/Храмсева Е.Е./

Подпись Храмсевой Е.Е. подтверждена.
20.01.2025г.

ПРОБЛЕМЫ И РЕШЕНИЯ
КАДРОВЫЙ АДМИНИСТРИРОВАНИЕ
ТК О.С.

Б

